

SPECYFIKACJA ASORTYMENTOWO - CENOWA

Opis usługi-przedmiotu zamówienia	Parametry wymienianej jednostki typ/modle/producent	Jm.	ilość	Cena jednostkowa netto	% VAT	Cena jednostkowa brutto	Wartość netto	Wartość brutto
<p>Modernizacja i podniesienie sprawności stanowiska do sekwencjonowania Pracowni Badań Genomu Wojewódzkiego Szpitala Specjalistycznego we Wrocławiu poprzez wymianę urządzenia procesującego próby do PGM Ion Torrent: Ion One Touch na urządzenie procesujące próby do Ion GeneStudio S5 Systems: Ion Chef Instrument (nr. 4484177) lub równoważne.</p> <p>Wymagana dostawa aparatu Ion Chef Instrument (nr. 4484177) lub równoważnego, kompatybilnego z chipami do sekwencjonowania typów Ion PI™ Chip v3, Ion 314™ Chip v2 BC, Ion 316™ Chip v2 BC, Ion 318™ Chip v2 BC, Ion 510™ Chip, Ion 550™ Chip, Ion 530™ Chip, Ion 520™ Chip, Ion 540™ Chip.</p> <p>Urządzenie musi posiadać następujące funkcje:</p> <ul style="list-style-type: none"> • automatyczne przygotowanie 		Zestaw	1					

<p>bibliotek typu Ion AmpliSeq, w tym przygotowanie matryc i ładowanie materiału do chipów,</p> <ul style="list-style-type: none"> • system ładowania odczynników oparty na gotowych kartridżach, • śledzenie prób i reagentów, • wbudowana wewnętrzna diagnostyka urządzenia, • dostępny w urządzeniu interface sterujący, • w pełni automatyczna stacja preparatywna w pełni kompatybilna z technologią paneli amplikonów AmpliSeq, która umożliwia bezobsługowe przygotowywanie bibliotek próbek z wykorzystaniem paneli genów do sekwencjonowania amplikonów składających się z jednej lub dwóch puli starterów, • system umożliwia również bezobsługowe wzbogacanie i oczyszczanie bibliotek metodą emulsyjnej reakcji 								
---	--	--	--	--	--	--	--	--

<p>PCR oraz w pełni załadowany nośnik który można sekwencjonować natychmiast po załadowaniu,</p> <ul style="list-style-type: none">• system ma wbudowany blok termocyklera, dwie wirówki reakcyjne i wirówkę do napełniania układów sekwencyjnych, ramię robota z odczytnikiem kodów QR i lampę UV do utrzymywania czystości w module, całkowity czas przygotowania stacji nie przekracza 45 minut,• moduł przygotowuje co najmniej 8 próbek do sekwencjonowania w ciągu około 20 godzin. Pojemność modułu do 8 próbek na jeden cykl przygotowania biblioteki a następnie do 384 próbek do emulsyjnego PCR i ładowania nośnika w zależności od wybranej aplikacji i formatu nośnika.								
---	--	--	--	--	--	--	--	--